



**COUSSON VALERIE** DRAGNE 58290 MOULINS ENGILBERT

Facture n° R2020028323 Commande: WA52566

Aubervilliers, le 21/02/2020

Désignation	Quantité	Prix Unitaire	Prix HT
Pack Santé Berger Australien	1	62,500€	62,500€
		Total Net HT	62,50€
		TVA à 20.0%	12,50€
		Total TTC	75,00€

Conditions de paiement : Facture acquittée le 26/12/2019

Tout incident de paiement est passible d'intérêt de retard. Le montant des pénalités résulte de l'application aux sommes restant dues d'un taux d'intérêt légal en vigueur au moment de l'incident.

Indemnité forfaitaire pour frais de recouvrement due au créancier en cas de retard de paiement: 40€







COUSSON VALERIE DRAGNE 58290 MOULINS ENGILBERT

## OLYMPE DES LEGENDES VROULONNES

Race : BERGER AUSTRALIEN Date de prélèvement : 23/01/2020

 $N^{\circ} \ Identification: 250268712673112 \\ \hspace{2.5cm} \text{V\'et\'erinaire: TOURESSE FREDERIC} (12606)$ 

ke : F Laboratoire :

Date de naissance : 12/01/2018 Date de résultat : 20/02/2020

RUE: SCC824179

## Certificat d'Identification Génétique

Marqueur	Allèle 1	Allèle 2	Marqueur	Allèle 1	Allèle 2
AHT121	100	100	INRA21	97	101
AHT137	131	137	INU005	110	126
AHT130	127	135	INU030	144	144
AHTh171	235	237	INU055	210	210
AHTh260	238	252	REN105L03	241	241
AHTk211	87	89	REN162C04	206	206
AHTk253	292	292	REN169D001	202	220
AMELOGENIN	Х	Х	REN169018	160	166
CXX279	116	116	REN274M23	268	268
FH2054	148	168	REN54P11	226	236
FH2848	240	240	REN64E19	147	147

### Compatibilité de Filiation

Etalon: LE P'TIT PRINCE DU PETIT DUC VICTORIA - 250268731458191 Lice: GANDHI DES LEGENDES DE LA SOURCE - 250269801855968

#### Résultat:

COMPATIBLE AVEC LE PÈRE EN L'ABSENCE DU RÉSULTAT DE LA MÈRE







**COUSSON VALERIE** DRAGNE 58290 MOULINS ENGILBERT

## OLYMPE DES LEGENDES VROULONNES

Race: BERGER AUSTRALIEN Date de prélèvement : 23/01/2020 N° Identification: 250268712673112 Vétérinaire: TOURESSE FREDERIC(12606)

Sexe: F

Date de naissance: 12/01/2018

RUE: SCC824179

Laboratoire:

Date de résultat : 20/02/2020

## Maladies suivies par le club de race

### A4 - Sensibilité médicamenteuse

Résultat: MDR1-1.2

Interprétation: Hétérozygote pour le gène ABCB1. Le chien est génétiquement atteint de Sensibilité Médicamenteuse (porteur MDR1) et transmet la mutation à environ la moitié de sa descendance. Il est sensible à l'utilisation de certaines molécules médicamenteuses : des précautions doivent être prises avant l'administration de toute molécule afin d'éviter une intoxication, demandez conseil à votre vétérinaire.

# B83 - Myélopathie dégénérative type A

Résultat: DM1A-1.1

Interprétation: Homozygote non muté pour le gène SOD1. Le chien est indemne de la Myélopathie Dégénérative déterminée par la mutation c.118G>A de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

# B76 - Atrophie Rétinienne Progressive - prcd

Résultat: PRCD-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène prcd. Le chien est indemne de la maladie Atrophie Rétinienne Progressive - prcd déterminée par la mutation c.5G>A de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.







Race: BERGER AUSTRALIEN Date de prélèvement : 23/01/2020 N° Identification: 250268712673112 Vétérinaire: TOURESSE FREDERIC(12606)

Sexe: F Laboratoire:

Date de naissance: 12/01/2018 Date de résultat : 20/02/2020

RUE: SCC824179

## Maladies suivies par le club de race

## B85 - Anomalie De L'Oeil Du Colley

Résultat: CEA-1.1

Interprétation: Homozygote non muté pour le gène NHEJ1. Le chien est indemne de la

maladie Anomalie De L'Oeil Du Colley déterminée par la mutation c.

588+462\_588+8260del7799bp de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au

cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

### B87 - Cataracte

Résultat: CAT-HSF4-A-1.1

Interprétation: Homozygote non muté pour le gène HSF4. Le chien est indemne de la Cataracte déterminée par la mutation c.11C>G de ce gène. Il ne développera pas cette forme

de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

#### Maladies sous surveillance

# A14 - Hyperuricosurie

Résultat: HUU-1.1

Interprétation: Homozygote non muté pour le gène SLC2A9. Le chien est indemne de la maladie Hyperuricosurie déterminée par la mutation c.616G>T de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa

descendance.







Race: BERGER AUSTRALIEN Date de prélèvement : 23/01/2020 N° Identification: 250268712673112 Vétérinaire: TOURESSE FREDERIC(12606)

Sexe: F Laboratoire:

Date de naissance: 12/01/2018 Date de résultat : 20/02/2020 RUE: SCC824179

Maladies potentiellement émergentes

## A11 - Rétinopathie Multifocale Type 1

Résultat: CMR1-1.1

Interprétation : Homozygote non muté pour le gène BEST1. Le chien est indemne de la maladie Rétinopathie Multifocale Type 1 déterminée par la mutation c.73C>T de ce gène. Il ne développera pas cette forme de la maladie au cours de sa vie. Il ne transmet pas la mutation à sa descendance.

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

## A62 - Queue courte naturelle

Résultat: QC-QC/n

Interprétation : Hétérozygote Queue Courte - le chien a la queue courte naturelle, l'animal est porteur du caractère queue longue et peut transmettre ces deux caractères à sa

descendance

# A61 - Longueur de Poil

Résultat: PL-l/l

Interprétation: Le chien est poil long, l'animal n'est pas porteur du caractère poil court et ne peut pas le transmettre à sa descendance









Race: BERGER AUSTRALIEN Date de prélèvement : 23/01/2020 N° Identification: 250268712673112 Vétérinaire: TOURESSE FREDERIC(12606)

Date de résultat : 20/02/2020

Sexe: F Laboratoire:

Date de naissance: 12/01/2018

RUE: SCC824179

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

#### A63 - Locus A Fauve Charbonne

Résultat: LocA-at/at

Interprétation: Homozygote marques feu / à manteau - le chien est marqué de feu ou à manteau. L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle at) à sa descendance. Remarque : ce gène ne s'exprime pas si le chien est par ailleurs porteur du caractère dominant noir (Kb/-) ou s'il exprime le caractère extension muté (e/e).

#### A68 - Locus K Noir Dominant

Résultat: LocK-ky/ky

Interprétation: Homozygote fauve sauvage 'neutre' - le chien est fauve. L'animal transmet systématiquement ce caractère (allèle ky) à sa descendance. Remarque : ce gène ne s'exprime pas si le chien exprime par ailleurs le caractère marques feu / à manteau (at/at ou at/a), le caractère noir uni (a/a) ou le caractère extension muté (e/e).

# A64 - Locus B Eumelanine noire ou marron (couleur de base)

Résultat: LocB-b/b

Interprétation: Homozygote marron (chocolat) - L'eumélanine produite par le chien est marron, l'animal transmet systématiquement ce caractère à sa descendance







Race: BERGER AUSTRALIEN Date de prélèvement : 23/01/2020 N° Identification: 250268712673112 Vétérinaire: TOURESSE FREDERIC(12606)

Date de résultat : 20/02/2020

Sexe: F Laboratoire:

Date de naissance: 12/01/2018

RUE: SCC824179

Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

#### A69 - Locus S Panachure de blanc

Résultat: LocS-S/S

Interprétation: Chien ne possédant pas l'allèle de panachure responsable de la panachure moyenne. L'animal n'est pas porteur du caractère « panachure moyenne », il ne transmet pas ce caractère à sa descendance.

#### G17 - Locus RALY Fauve à manteau

Résultat: RALY-dup/dup

Interprétation : Si le chien exprime l'allèle ay au locus A alors il présente une robe marquée de feu. Il transmet ce caractère (l'allèle muté du gène RALY) à tous ses descendants.

#### A70 - Locus M Merle

Résultat: LocM-M/m

Interprétation : Si le chien est d'apparence merle, il est hétérozygote merle (M/m) et transmet la mutation merle (allèle M) à la moitié de ses descendants en moyenne. Si le chien ne présente pas de robe merle, il est hétérozygote non merle (allèle m) porteur de merle cryptique (allèle M\*) et transmet l'un ou l'autre de ces deux caractères à la moitié de sa descendance en moyenne. Remarque : L'allèle M\* (merle cryptique) est parfois transmis à la descendance sous la forme M (merle).







Race: BERGER AUSTRALIEN Date de prélèvement : 23/01/2020 N° Identification: 250268712673112 Vétérinaire: TOURESSE FREDERIC(12606)

Sexe: F Laboratoire:

Date de naissance: 12/01/2018

RUE: SCC824179

Date de résultat : 20/02/2020

## Autres résultats génétiques (traits morphologiques)

## G55 - Locus H Arlequin

Résultat: LocH-h/h

Interprétation : Homozygote non muté pour le caractère Arlequin. Le chien ne peut pas présenter une robe Arleguin. Il ne transmet jamais le caractère Arleguin à sa descendance.

#### G68 - Locus C Curl

Résultat: LocC-C/C

Interprétation: Homozygote pour le caractère poil non bouclé. L'animal a un poil non bouclé d'après ce gène. Il transmet systématiquement ce caractère (allèle C) à sa descendance.

### G59 - Locus E Extension

Résultat: LocE-Em/E

Interprétation: Hétérozygote pour le caractère Em - chien présentant une robe masquée. L'animal est porteur du caractère non masqué extension sauvage (allèle E). L'animal peut

transmettre les deux caractères à sa descendance.



